

第3回ヤポネシアゲノムくにうみミーティング

日時：2022年3月15日 13:00～17日 12:00

場所：淡路夢舞台国際会議場（〒656-2306 兵庫県淡路市夢舞台2番地）

アクセス

高速バス乗り場（三宮または新神戸）



高速バス大磯号

新神戸 11:20/12:15 → 三ノ宮 11:35/12:30 → 淡路夢舞台 12:20/13:15

淡路夢舞台 12:51/13:46 → 三ノ宮 13:33/14:28 → 新神戸 13:43/14:38

プログラム

*赤字はハイブリッド開催，青字は現地参加者のみのイベント

3月15日（火）

12:00～ 現地で受け付け開始，GatherTown，Zoomの立ち上げ

GatherTown（2日目のポスター発表，オンライン懇親会）

https://app.gather.town/app/PhtYGnUrMFjMVUQC/Kuniumi_3rd

Zoom（それ以外のハイブリッドセミナー）

<https://zoom.us/j/96512161301?pwd=UzJUeXN6em9MZzNBTEVGVWnJWc1hBdz09>

ポスターは開催期間中 GatherTown で閲覧可能です。

ポスターのタイトル一覧は本ドキュメントの最後にあります。

12:00～

受け付け開始（宿泊費，食費を徴収します），Zoomを立ち上げます

13:00～

開会のあいさつ：長田直樹（ハイブリッド）

13:10～14:10

歴史はやわかりセミナー：斎藤成也領域代表（ハイブリッド）

14:20～15:20

参加者全員によるフラッシュトーク/自己紹介（ハイブリッド）

23人×2分

*ポスター発表用の画像を，会場のPC画面をZoomで共有しながら流します。発表が無い方も自己紹介をいただくと助かります。発表順はポスターの番号順（6ページ参照）とします。

15:20～15:40

コーヒーブレイク

15:40～17:00

ワールドカフェ

*さまざまなトピックについてグループディスカッションを行います。

17:00～18:00

チェックイン

18:00～

夕食（きとら）

夕食後 自由行動

3月16日（水）

9:00～12:00

考古学・言語学・遺伝学やわらか講座（ハイブリッド）

*分野外の若手研究者へ向けた講座です。

30分講演，15分ディスカッション，10分休憩

9:00～9:45

言語：中澤光平（東京大学）

10:00～10:45

遺伝：長田直樹（北海道大学）

11:00～11:45

考古：山極海嗣（琉球大学）

12:00～13:00

昼食 古代米弁当

13:00～16:00

五斗長垣内遺跡の視察（現地参加者のみ）

16:30～

ポスター発表，オンライン懇親会（オンラインのみ，現地参加者は各自の部屋から参加）

GatherTown (https://app.gather.town/app/PhtYGnUrMFjMVUQC/Kuniumi_3rd) を使います。ログイン後，右上（北東）のポスタールームに集合してください。

16:30～17:15 奇数番号コアタイム

17:15～18:00 偶数番号コアタイム

18:00～ 現地参加者は夕食を受け取りに行く

GatherTown でオンライン懇親会（ポスターを掲示しながら）

3月17日（木）

9:00～11:30

口頭発表（ハイブリッド）

9:00～9:25

新村毅（東京農工大） ニワトリのヤポネシアへの移入と拡散

9:25～9:50

河合洋介（国立国際医療センター）

9:50～10:15

セリック・ケナン（国立国語研）

10:15～10:35 コーヒーブレイク

10:35～11:00

松本悠貴（アニコム） ゲノム解析から明らかにする日本猫の歴史

11:00～11:25

神澤秀明（科博） 古代人ゲノムからみたヤポネシア人の遺伝的変遷

11:30～12:00

講評，表彰，記念撮影（現地参加者）

12:00～

昼食 タコ飯弁当

ポスタータイトル一覧

番号 「発表タイトル」

発表者（敬称略） 発表者所属

1 「長鎖シークエンスデータを用いた局所アセンブリ法の開発とその応用」

池本滉 （東京大学）

2 「全ゲノム解析に基づくユーラシア極東地域のヒグマの集団史」

遠藤優 （北海道大学）

3 「東アジア人の分化と歴史」

長田直樹 （北海道大学）

4 「現代人ゲノムから探るヤポネシア人の歴史」

河合洋介 （国立国際医療研究センター）

5 「古代人ゲノムからみたヤポネシア人の遺伝的変遷」

神澤秀明（国立科学博物館）

6 「ヤポネシアにおけるイネ受容の歴史」

熊谷真彦 （農研機構）

7 「マイクロサテライト領域の包括的解析と人類集団解析への応用」

郷地麗央 (東京大学)

8 「Rare allele sharing of Yaponeseians and ancient samples」

五條堀淳 (総合研究大学院大学)

9 「国生み神話・国ゆずり神話・邪馬台国を考える」

斎藤成也 (国立遺伝学研究所)

10 「オホーツク文化期人骨のゲノム解析」

佐藤丈寛 (金沢大学)

11 「ニワトリのヤポネシアへの移入と拡散」

新村毅 (東京農工大学)

12 「ピロリ菌でたどる日本人の起源」

鈴木留美子 (国立遺伝学研究所)

13 「日琉諸語の比較言語学の最前線から：(先)日琉諸語における語形成に関する試論」

セリック・ケナン (国立国語研究所)

14 「古人骨の保存状態と DNA 残存量の関係についての研究」

中村友香 (東京大学)

1 5 「北海道諸方言の系統関係試論」

中澤光平 (東京大学)

1 6 「縄文人由来 DNA のメタゲノム解析」

西村瑠佳 (総合研究大学院大学)

1 7 「ヒトゲノムの解析困難領域の研究」

藤本明洋 (東京大学)

1 8 「日本産野生ハツカネズミに注目した全ゲノム配列解析」

藤原一道 (北海道大学)

1 9 「琉球列島人の集団ゲノム解析」

松波雅俊 (琉球大学)

2 0 「ゲノム解析から明らかにする日本猫の歴史」

松本悠貴 (アニコム先進医療研究所株式会社)

2 1 「進化的距離から主成分分析(PCA)を行う」

三澤計治 (横浜市立大学)

2 2 「千葉県・縄文後晩期遺跡群出土人骨のミトコンドリア DNA 全塩基配列解析」

脇山由基 (東京大学)